

Curriculum Vitae Europass

Informazioni personali

Nome e Cognome **Katia Todoerti**

Indirizzo

Telefono

E-mail

Cittadinanza Italiana

Data di nascita 27.11.1978

Sesso F

Occupazione desiderata Coordinamento di progetti di ricerca volti alla generazione, analisi e interpretazione di dati genomici globali, ottenuti mediante approcci di sequenziamento di ultima generazione/utilizzo di microarray. Organizzazione ed elaborazione dei risultati per la stesura di manoscritti e la pubblicazione su riviste scientifiche internazionali; presentazione a congressi scientifici nazionali/internazionali.

Esperienza professionale

Date **01.01.2021- 31.12.2021**

01.03.2020- 31.12.2020

Lavoro o posizione ricoperti **Borsa di studio per attività di ricerca – 12 mesi**

Borsa di studio per attività di ricerca – 10 mesi

Principali attività e responsabilità Progetto: Monitoraggio clinico-biologico di pazienti asintomatici, affetti da discrasie plasmacellulari mediante biopsia liquida e genotipizzazione di DNA tumorale circolante

Nome e indirizzo del datore di lavoro Lab. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Tipo di attività o settore Analisi bioinformatica di dati generati mediante approcci di sequenziamento di nuova generazione

01.03.2019-29.02.2020

Borsa di studio per attività di ricerca – 12 mesi

Progetto: Gestione di studi clinici-biologici relativi a neoplasie ematologiche

Lab. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Analisi bioinformatica di dati pubblici derivanti da approcci di sequenziamento di nuova generazione; analisi di splicing alternativo su dati di espressione genica generati con approccio microarray

01.10.2018-31.01.2019

Internato Master

Progetto: Analisi multi-omica fattoriale (MOFA) sullo studio MMRF CoMMpass del Mieloma Multiplo Centro di Genomica Translazionale e Bioinformatica, IRCCS Ospedale San Raffaele, Via Olgettina, 58, 20132, Milano

Acquisizione e applicazione di metodi di analisi bioinformatica di dati derivanti da approcci di sequenziamento di nuova generazione

01.08.2018-31.01.2019

Contratto di collaborazione esterna

Progetto: Analisi di espressione di RNA lunghi non-codificanti in pazienti affetti da Mieloma Multiplo, dopo trattamento con agenti immunomodulatori

Dip. Medicina Interna e Specialità mediche, Università di Genova Viale Benedetto XV, 6, 16132, Genova

Generazione e analisi bioinformatica di dati di espressione globale di geni ed RNA non codificanti

01.01.2018-31.12.2018

Borsa di studio per attività di ricerca (Fondazione Umberto Veronesi)

Progetto: Analisi funzionale di RNA lunghi non-codificanti deregolati in discrasie plasmacellulari

Dip. Oncologia ed Emato-oncologia, Università degli Studi di Milano, Via Festa del Perdono, 7, 20122, Milano; Lab. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Processazione/analisi bioinformatica di campioni da pazienti affetti da discrasie plasmacellulari mediante analisi di espressione globale con microarray

01.01.2017-31.12.2017

Contratto di collaborazione a progetto

Progetto: Definizione della "signature" epigenetica nel Mieloma Multiplo, mediante profilo ad alta risoluzione di metilazione globale ed analisi integrata con alterazioni genomiche e profili di espressione genica e di microRNA

Codice progetto: RICERCA FINALIZZATA GR-2010-2320635; durata: 4 anni; Finanziamento globale ottenuto: €371.200

Lab. Ricerca Pre-Clinica e Traslazionale, Centro di Riferimento Oncologico della Basilicata, IRCCS CROB, Via Padre Pio, 1, 85028 Rionero in Vulture (PZ)

Acquisizione e applicazione di metodiche di analisi bioinformatica integrata di dati multi-omici (genomici, espressione, metilazione globali); Gestione di progetti collaborativi volti alla caratterizzazione molecolare di altre neoplasie ematologiche o di carcinoma della tiroide

01.01.2013-31.12.2016

Contratto di collaborazione a progetto

Progetto: Definizione della "signature" epigenetica nel Mieloma Multiplo, mediante profilo ad alta risoluzione di metilazione globale ed analisi integrata con alterazioni genomiche e profili di espressione genica e di microRNA

Lab. Ricerca Pre-Clinica e Traslazionale, Centro di Riferimento Oncologico della Basilicata, IRCCS CROB, Via Padre Pio, 1, 85028 Rionero in Vulture (PZ)

Coordinatrice principale e responsabile delle attività di ricerca per lo svolgimento del progetto Giovani Ricercatori, finanziato dal Ministero della Salute, nell'ambito della Ricerca Finalizzata 2010; Acquisizione di metodiche di processazione/analisi bioinformatica di campioni da pazienti affetti da discrasie plasmacellulari mediante analisi su microarray di analisi di metilazione globale

01.11.2012-31.12.2012

Borsa di studio per attività di ricerca

Progetto: Studio del ruolo dei microRNA nel Mieloma Multiplo, analisi genomica integrata.

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Processazione/analisi bioinformatica di campioni da pazienti affetti da discrasie plasmacellulari/leucemia linfatica cronica, mediante analisi di espressione globale di piccoli RNA non codificanti (microRNA) con microarray

01.11.2010-31.10.2012

Assegno di ricerca (rinnovo)

Progetto: Studio del ruolo dei microRNA nel Mieloma Multiplo, analisi genomica integrata.

Dip. Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Via Festa del Perdono, 7, 20122; Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Processazione/analisi bioinformatica di campioni da pazienti affetti da discrasie plasmacellulari/leucemia linfatica cronica, mediante analisi di espressione globale di microRNA con microarray

01.11.2008-31.10.2010

Assegno di ricerca

Progetto: Microambiente midollare e clone neoplastico nel mieloma multiplo; identificazione di vie di segnale e potenziali bersagli molecolari

Dip. Scienze Mediche, Università degli Studi di Milano, Via Festa del Perdono, 7, 20122; Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Processazione/analisi bioinformatica di campioni di cellule del microambiente da pazienti affetti da discrasie plasmacellulari, mediante analisi di espressione genica con microarray

01.01.2006-31.12.2008

Borsa di studio per attività di ricerca (Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro)

Progetto: Analisi genomica e del profilo di espressione genica globali nel Mieloma Multiplo

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Acquisizione e applicazione di metodi di analisi genomica globale; generazione ed integrazione con dati di espressione genica

01.01.2005-31.12.2005

Borsa di studio per attività di ricerca

Progetto: Analisi del profilo di espressione genica in pazienti affetti da Mieloma Multiplo e portatori di diverse traslocazioni cromosomiche al locus delle immunoglobuline IgH

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Processazione/analisi bioinformatica di campioni di plasmacellule da pazienti affetti mieloma multiplo e caratterizzazione dei profili di espressione genica in relazione alle principali categorie molecolari

01.01.2004-31.12.2004

Borsa di studio per attività di ricerca (Fondazione Italiana per la Ricerca sul Cancro)

Progetto: Studio del ruolo funzionale delle proteine MMSET nel Mieloma Multiplo

Lab. Genetica Molecolare, U.O. Ematologia 1, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano, Via Francesco Sforza, 35, 20122 Milano

Analisi di attività trascrizionale e potenziale ruolo funzionale delle proteine MMSET, mediante approcci di biologia cellulare e molecolare in linee cellulari umane di mieloma multiplo

Istruzione e formazione

Date **22.01.2019**

Titolo della qualifica rilasciata

Master II livello in Bioinformatica e Genomica Funzionale

Principali tematiche/competenze professionali possedute

Acquisizione metodiche di analisi bioinformatica su dati multi-omici generati mediante approcci di sequenziamento di ultima generazione

Nome e tipo d'organizzazione erogatrice dell'istruzione e formazione

Istituto Nazionale di Genetica Molecolare, Fondazione IRCCS Ca' Granda Ospedale Maggiore Policlinico di Milano e Università degli Studi di Milano; IRCCS Ospedale San Raffaele di Milano

16.02.2009

Dottorato di Ricerca in Ematologia Sperimentale

Progetto: Acquisizione e applicazione di metodiche di analisi multi-omica integrata nella analisi di ampi dataset di pazienti affetti da discrasie plasmacellulari, in relazione alle principali caratteristiche molecolari e cliniche

Titolo Tesi: Approcci genomici integrati nell'analisi molecolare del Mieloma Multiplo

Università degli Studi di Milano

11.07.2003

Laurea in Biotecnologie (indirizzo Medico)

Votazione: 110/110 e lode

Progetto di tesi: Acquisizione e applicazione di metodiche di analisi funzionale di proteine WHSC1/MMSET alterate in pazienti con Mieloma Multiplo, portatori della traslocazione t(4;14)

Università degli Studi di Bologna

1997

Diploma di Maturità Scientifica

Votazione: 60/60

Liceo Scientifico L.B. Alberti, Valenza (AL)

Competenze personali

Madrelingua(e)

Italiana

Altra(e) lingua(e)

Autovalutazione

Livello europeo (*)

Inglese

Comprensione		Parlato		Scritto
Ascolto	Lettura	Interazione orale	Produzione orale	
buono	ottimo	ottimo	ottimo	ottimo

(*) Quadro comune europeo di riferimento per le lingue

Capacità e competenze sociali

Ottima capacità di lavoro in gruppo, ottimo spirito di adattamento e di capacità di comunicazione e presentazione di dati a contenuto scientifico. Partecipazione a numerosi Congressi nazionali ed europei con presentazioni orali o poster, relativi alla attività di ricerca svolta, organizzati da Società Italiana di Ematologia, Società Italiana di Ematologia Sperimentale, Società Italiana di Cancerologia, Associazione Europea di Ematologia, Ministero della Salute.

Capacità e competenze organizzative

Ottima capacità organizzativa e gestionale del lavoro di ricerca di progetti interni e di numerosi progetti di collaborazione esterna con diversi gruppi di ricerca; ottima capacità gestionale dell'aspetto scientifico e di rendicontazione economica di progetto di ricerca coinvolgente unità operative diverse; ottima capacità di lavoro in gruppo.

Capacità e competenze tecniche

Metodiche di biologia cellulare: colture di linee cellulari, trasfezione, analisi di trascrizione genica (saggio Luciferasi), analisi di espressione di proteine (Western blot, immunofluorescenza, immunoprecipitazione); biologia molecolare: clonaggio genico, PCR, PCR quantitativa, metodiche per analisi su microarray (analisi globale genomica, espressione genica, RNA non codificante, metilazione) mediante utilizzo di diverse piattaforme (Affymetrix, Illumina).

Capacità e competenze informatiche

Ambiente operativo Windows, Linux Ubuntu; pacchetto Microsoft Office; strumenti di manipolazione grafica; linguaggio di programmazione statistica R; software per la gestione di dati multi-omici generati da microarray o mediante approcci di sequenziamento di nuova generazione; analisi genomica funzionale; approcci di gestione e manipolazione di dati genomici presenti in database pubblici; approcci di analisi integrata; metodi di machine learning

Partecipazione a Corsi:

- *R for biological data. R4BD.* EuroClone Spa, Pero (MI), 18-19 Novembre, 2017.
- *Corso di Euro-progettazione.* Istituto Europeo per lo Sviluppo Socio-Economico (ISES), Alessandria, 15-16 Gennaio, 2015.
- *Cytoscan join the Resolution Revolution Workshop.* Roma, 10 Maggio, 2012.
- *Data EXON 1.0 ST arrays analysis Course.* Orbassano (TO), 24-26 Giugno, 2008
- *Partek training Workshop.* Londra, 6-7 Maggio, 2008
- *Exon and Partek Workshop.* Milano, 5 Dicembre, 2007.
- *International Summer School on statistical inference in biology and human sciences, BIOSTAT2006.* Università del Piemonte Orientale, Asti, 27 Giugno-7 Luglio, 2006.

Partecipazione a Convegni:

- *Festival of Genomics & Biodata.* Londra, 29-30 Gennaio, 2020.
- *Convegno SIES sui microRNA.* Firenze, 22 Novembre, 2012.
- *Workshop sulla medicina traslazionale nel mieloma multiplo.* Milano, 11 Ottobre, 2010.
- *Updates on microRNA Research Workshop (EuroClone).* Milano, 6 Luglio, 2010.
- *Convegno sulle nuove acquisizioni e prospettive nella terapia del mieloma multiplo.* Parma, 12 Giugno 2009.
- *RNAi Workshop (Celbio).* Milano, 15 Maggio, 2008.
- *The ESH Euroconference on Multiple Myeloma and other Monoclonal Gammopathies.* Cascais, 6-9 Marzo, 2008.
- *4th Corso sui tumori ematologici.* Milano, 16 Novembre, 2007
- *The RNA symposia series: Messenger, Micro and Interfering.* Milano, 15 Novembre, 2006.

Partecipazione a Congressi in qualità di relatore:

- *48th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia, SIE.* Milano, 24-27 Ottobre, 2021. Presentazione poster.
- *Personalized medicine in hematology: focus on Multiple myeloma. Convegno AMGEN.* Napoli, 12 Ottobre, 2017: Presentazione orale: *Identification of MRD in Multiple Myeloma: Next Generation Sequencing.*
- *Novel insights in biology myeloma: the seed and soil.* Catania, 17-18 Febbraio, 2017. Presentazione orale.
- *14th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia Sperimentale, SIES.* Rimini, 19-21 Ottobre, 2016. Presentazione orale.
- *Meeting sugli Stati Generali della Ricerca.* Roma, 27-28 Aprile, 2016. Presentazione poster Progetto Giovani Ricercatori.
- *45th Congresso Nazionale della Società Italiana di Ematologia, SIE.* Firenze, 4-7 Ottobre, 2015. Presentazioni orali e poster.
- *Convegno sulla ricerca medica all' IRCCS CROB: risultati nel 2014 e prospettive per il 2015.* Rionero in Vulture (PZ), 17-18 Dicembre, 2014. Presentazione orale Progetto Giovani Ricercatori.
- *13th Congresso Nazionale SIES.* Rimini, 15-17 Ottobre, 2014. Presentazioni orali.
- *Investigator Research Meeting-Preclinical study and Translational research.* Napoli, 23 Settembre, 2014. Presentazione orale selezionata, come primo autore della pubblicazione: *Transcriptional Characterization of a Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome.*
- *19th European Hematology Association (EHA) Congress, Hematology Medical Congress.* Milano, 12-15 Giugno, 2014. Presentazione poster.
- *Convegno sulla ricerca traslazionale e diagnostica oncologica avanzata all' IRCCS CROB: risultati nel 2013 e prospettive per il 2014.* Rionero in Vulture (PZ), 16 Dicembre, 2013. Presentazione orale Progetto Giovani Ricercatori.
- *Final Contest of Under 40 in Hematology 2013.* Torino, 14-15 Novembre, 2013. Presentazione orale selezionata, come primo autore della pubblicazione: *Transcriptional Characterization of a*

Patente

B

Ulteriori
informazioni

Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome.

- 44th Congresso Nazionale SIE. Verona, 20-23 Ottobre, 2013. Presentazioni poster.
- 12th Congresso Nazionale SIES. Roma, 17-19 Ottobre, 2012. Presentazione orale.
- 16th EHA Congress. Londra, 9-12 Giugno, 2011. Presentazione orale (co-autore).
- 11th Congresso Nazionale SIES. Torino, 6-8 Ottobre, 2010. Presentazione poster.
- 14th EHA Congress. Berlino, 4-7 Giugno, 2009. Presentazione poster.
- 10th Congresso Nazionale SIES. Bari, 24-26 Settembre, 2008. Presentazione orale.
- 49th Congresso Nazionale della Società Italiana di Cancerologia (SIC). Pordenone, 26-29 Novembre, 2007. Presentazione poster.
- 40th Congresso Nazionale SIE. Bergamo, 3-6 Luglio, 2005. Presentazione poster.
- 13th Congresso Nazionale SIES. Pavia, 14-16 Settembre, 2004. Presentazione orale.

Sommario delle Pubblicazioni scientifiche:

Pubblicazioni totali: 108 (indicizzate su PubMed dal 2005 ad oggi)
h-index: 33 (calcolato su 103 pubblicazioni, sorgente: Scopus, 17 Novembre 2021)
Citazioni totali: 2824 (sorgente: Scopus, 17 Novembre 2021)
Scopus Author ID: 12445407000; <https://orcid.org/0000-0001-6687-6871>

Lista delle pubblicazioni scientifiche come primo autore/co-autore:

1. **Todoerti K**, Ronchetti D, Puccio N, Silvestris I, Favasuli V, Amodio N, Gentile M, Morabito F, Neri A, Taiana E. *Dissecting the Biological Relevance and Clinical Impact of lncRNA MIAT in Multiple Myeloma*. Cancers (Basel). 2021 IF 2021: 6.639
2. **Todoerti K**, Gallo Cantafio ME, Oliverio M, Juli G, Rocca C, Citraro R, Tassone P, Procopio A, De Sarro G, Neri A, Viglietto G, Amodio N. *Oleil Hydroxytyrosol (HTOL) Exerts Anti-Myeloma Activity by Antagonizing Key Survival Pathways in Malignant Plasma Cells*. Int J Mol Sci. 2021. IF 2020/2021: 5.542
3. **Todoerti K**, Taiana E, Puccio N, Favasuli V, Lionetti M, Silvestris I, Gentile M, Musto P, Morabito F, Gianelli U, Bolli N, Baldini L, Neri A, Ronchetti D. *Transcriptomic Analysis in Multiple Myeloma and Primary Plasma Cell Leukemia with t(11;14) Reveals Different Expression Patterns with Biological Implications in Venetoclax Sensitivity*. Cancers (Basel). 2021. IF 2021: 6.639
4. **Todoerti K**, Ronchetti D, Manzoni M, Taiana E, Neri A, Agnelli L. *Bioinformatics Pipeline to Analyze lncRNA Arrays*. Methods Mol Biol. 2021.
5. **Todoerti K**, Ronchetti D, Favasuli V, Maura F, Morabito F, Bolli N, Taiana E, Neri A. *D/S3 mutations in Multiple Myeloma impact the transcriptional signature and clinical outcome*. Haematologica, 2021. IF 2020/2021: 9.941
6. Ronchetti D, **Todoerti K**, Vinci C, Favasuli V, Agnelli L, Manzoni M, Pelizzoni F, Chiaramonte R, Platonova N, Giuliani N, Tassone P, Amodio N, Neri A and Taiana E. *Expression Pattern and Biological Significance of the lncRNA ST3GAL6-AS1 in Multiple Myeloma*. Cancers (Basel), 2020. IF 2021: 6.639
7. **Todoerti K**, Calice G, Trino S, Simeon V, Lionetti M, Manzoni M, Fabris S, Barbieri M, Pompa A, Baldini L, Bollati V, Zoppoli P, Neri A, Musto P. *Global methylation patterns in primary plasma cell leukemia*. Leuk Res. 2018. IF 2020/2021: 3.156
8. Simeon V, **Todoerti K**, La Rocca F, Caivano A, Trino S, Lionetti M, Agnelli L, De Luca L, Laurenzana I, Neri A, Musto P. *Molecular Classification and Pharmacogenetics of Primary Plasma Cell Leukemia: An Initial Approach toward Precision Medicine*. Int J Mol Sci. 2015. Review. IF 2020/2021: 5.542
9. **Todoerti K**, Agnelli L, Fabris S, Lionetti M, Tuana G, Mosca L, Lombardi L, Grieco V, Bianchino G, D'Auria F, Statuto T, Mazzocchi C, De Luca L, Petrucci MT, Morabito F, Offidani M, Di Raimondo F, Falcone A, Omede' P, Tassone P, Boccadoro M, Palumbo A, Neri A, Musto

P. *Transcriptional Characterization of a Prospective Series of Primary Plasma Cell Leukemia Revealed Signatures Associated with Tumor Progression and Poorer Outcome*. Clin Cancer Res. 2013. IF 2020: 12.531

10. **Todoerti K**, Lisignoli G, Storti P, Agnelli L, Novara F, Manferdini C, Codeluppi K, Colla S, Crugnola M, Abeltino M, Bolzoni M, Sgobba V, Facchini A, Lambertenghi-Deliliers G, Zuffardi O, Rizzoli V, Neri A, Giuliani N. *Distinct transcriptional profiles characterize bone microenvironment mesenchymal cells rather than osteoblasts in relationship with multiple myeloma bone disease*. Exp Hematol. 2010. IF 2020: 3.084
11. **Todoerti K**, Barbui V, Pedrini O, Lionetti M, Fossati G, Mascagni P, Rambaldi A, Neri A, Introna M, Lombardi L, Golay J. *Pleiotropic anti-myeloma activity of ITF2357: inhibition of interleukin-6 receptor signaling and repression of miR-19a and miR-19b*. Haematologica. 2010. IF 2020/2021: 9.941
12. Ria R, **Todoerti K**, Berardi S, Coluccia AM, De Luisi A, Mattioli M, Ronchetti D, Morabito F, Guarini A, Petrucci MT, Dammacco F, Ribatti D, Neri A, Vacca A. *Gene expression profiling of bone marrow endothelial cells in patients with multiple myeloma*. Clin Cancer Res. 2009. IF 2020: 12.531
13. **Todoerti K**, Ronchetti D, Agnelli L, Castellani S, Marelli S, Deliliers GL, Zanella A, Lombardi L, Neri A. *Transcription repression activity is associated with the type I isoform of the MMSET gene involved int(4;14) in multiple myeloma*. Br J Haematol. 2005. IF 2020/2021: 6.998

Curriculum formativo e professionale reso a' sensi degli art. 46 e 47 del D.P.R. n. 445/2000.

Autorizzo il trattamento dei dati personali contenuti nel mio curriculum vitae in base all'art. 13 del D.Lgs. 196/2003 e all'art. 13 del Regolamento UE 2016/679 relativo alla protezione delle persone fisiche con riguardo al trattamento dei dati personali.

Milano, 17.11.2021

Firma

